

CURRICULUM VITAE



*Dichiarazione sostitutiva di certificazione e dichiarazione
sostitutiva dell'atto di notorietà ai sensi del D.P.R.
445/28.12.2000*

**(allegare copia non autenticata di documento di identità del
sottoscrittore in corso di validità)**

Il sottoscritto Michele Giovannini nato _____,
residente a _____

consapevole delle responsabilità penali cui può andare incontro, in caso di dichiarazioni mendaci, ai sensi e per gli effetti di cui all'art. 76 del D.P.R. 445/2000 e consapevole che, ai sensi dell'art. 13, del Regolamento UE 2016/679 (GDPR), la presente dichiarazione sarà pubblicata sul sito web dell'amministrazione in apposita sezione di Amministrazione Trasparente, sotto la propria responsabilità

**dichiara
ai sensi degli artt. 46 e 47 del DPR 445/2000**

INFORMAZIONI PERSONALI

Nome Giovannini Michele
Indirizzo _____
Telefono +39 _____
E-mail _____
Nazionalità _____
Data di nascita _____

ESPERIENZA LAVORATIVA

Data _____ Nome e indirizzo del datore di lavoro _____ Tipo di azienda o settore _____ Tipo di impiego _____ Principali mansioni e responsabilità _____	Ottobre 2025 - in corso Springer Nature Editoria scientifica / Pubblicazioni di volumi accademici Editor (Giovannini, M., Alonso-Vásquez, T., and Garbini, G.L.) • Editor del volume <i>Bacterial Pangenomics</i> (Springer, in preparazione) • Definizione della struttura del volume e selezione dei capitoli da includere • Identificazione e contatto con potenziali autori internazionali e italiani • Coordinamento del processo editoriale: gestione dei contributi, supervisione dei contenuti, interazione con gli autori durante la stesura dei capitoli
Data _____ Nome e indirizzo del datore di lavoro _____ Tipo di azienda o settore _____ Tipo di impiego _____ Principali mansioni e responsabilità _____	Gennaio 2025 - in corso Università degli Studi di Firenze - Dipartimento di Biologia (<u>ComBo group</u>), Via Madonna del Piano 6, 50019, Sesto Fiorentino (FI), Italia Ricerca accademica / Bioinformatica e Systems Biology Assegno di ricerca post-doc (Resp. scientifico: Prof. <u>Marco Fondi</u>) Attività di ricerca focalizzata sullo sviluppo di un framework integrato che combina dati di trascrittomica NGS con tecniche di modellazione metabolica <i>constraint-based</i> per valutare come la dinamica di replicazione del DNA influenzi i processi cellulari. Le analisi si basano sul principio secondo cui la molteplicità genica determina, durante la crescita batterica rapida, un aumento temporaneo del dosaggio dei geni prossimi all'origine di replicazione. L'obiettivo è valutare se e in che misura queste variazioni di dosaggio si riflettano sull'attività metabolica, alterando la distribuzione dei flussi all'interno della rete.

Data	Febbraio 2023 - Dicembre 2024
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di Firenze - Dipartimento di Biologia (<u>ComBo group</u>), Via Madonna del Piano 6, 50019, Sesto Fiorentino (FI), Italia
Tipo di azienda o settore	Ricerca accademica / Bioinformatica e Systems Biology
Tipo di impiego	Assegno di ricerca post-doc (Resp. scientifico: Prof. <u>Marco Fondi</u>)
Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca dedicata allo sviluppo di modelli computazionali, sia deterministici sia stocastici, per simulare e prevedere la dinamica di comunità microbiche in risposta a fattori ambientali e perturbazioni antibiotiche. Il lavoro analizza il ruolo delle interazioni tra specie, delle fluttuazioni delle dimensioni di popolazione e del rumore biologico nel determinare persistenza, tolleranza e <i>resuscitation</i> in condizioni di stress. Parte dell'assegno è inoltre rivolto allo studio delle comunità microbiche del gut umano, con l'obiettivo di generare modelli predittivi capaci di descrivere le risposte della comunità a diverse perturbazioni. I modelli sviluppati mirano a supportare strategie di intervento razionale sia in ambito biotecnologico ambientale sia nel contesto dei trattamenti antibiotici.
Data	Dicembre 2022 - Gennaio 2023
Nome e indirizzo del datore di lavoro	<u>GENEWIZ GmbH</u> , Bahnhofstrasse 86, 04158 Lipsia, Germania
Tipo di azienda o settore	Servizi di genomica e bionformatica / Sequenziamento NGS e Sanger
Tipo di impiego	Periodo di formazione durante il Dottorato
Principali mansioni e responsabilità	Periodo di formazione immersiva all'interno della pipeline produttiva di un'azienda di sequencing, con attività svolte dall'accettazione dei campioni fino alla consegna dei dati. Particolare attenzione dedicata ai workflow robotizzati e alla preparazione delle librerie per il sequenziamento dell'intero genoma (WGS). L'esperienza ha permesso di acquisire competenze dirette nella genomica su scala industriale e di comprendere da vicino l'organizzazione dei servizi bioinformatici applicati al settore commerciale.
Supervisor	Manja Richter (Office Manager) e Marie-Theres Gansauge (Team Lead, NGS Development)
Data	Novembre 2019 - Gennaio 2023
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università di Pisa - Dipartimento di Biologia, Via Alessandro Volta, 4Bis, 56126, Pisa, Italia
Tipo di azienda o settore	Ricerca accademica / Genomica evolutiva e microbiologia
Tipo di impiego	Dottorato di ricerca (Resp. scientifico: Prof. <u>Giulio Petroni</u>)
Principali mansioni e responsabilità	Dottorato di ricerca focalizzato alla caratterizzazione genomica ed evolutiva della relazione endosimbiontica tra batteri simbiotici e ospiti eucariotici. L'attività ha previsto analisi genomiche comparative e funzionali su nuovi genomi ottenuti tramite sequenziamento, con l'obiettivo di investigare i meccanismi alla base dell'interazione ospite-simbionte e gli adattamenti necessari alla vita intracellulare. È stato inoltre ottimizzato un protocollo di sequenziamento Nanopore per ottenere genomi simbiotici completamente chiusi e di alta qualità, mentre lo sviluppo di un protocollo Dual-RNAseq ha consentito di profilare simultaneamente l'espressione genica sia dei simbiotici sia degli ospiti.

Data	Giugno - Ottobre 2019
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Life Sciences Research Unit (LSRU), Université du Luxembourg Belval Campus, Esch-sur-Alzette, Lussemburgo
Tipo di azienda o settore	Ricerca accademica / Systems Biology e metabolic modeling
Tipo di impiego	Borsa di ricerca post-Laurea Magistrale
Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca dedicata alla caratterizzazione della fisiologia di base di <i>Fusobacterium nucleatum</i> attraverso la ricostruzione di un modello metabolico genome-scale (GEM), progettato per simulare i principali fenotipi della specie in differenti condizioni biologiche, incluse quelle associate all'interazione con il microambiente tumorale del colon-retto (CRC). La contestualizzazione del modello con dati di espressione genica ottenuti da sistemi <i>in vitro</i> ha consentito di simulare fenotipi rilevanti nell'interazione ospite-microbo, inclusi quelli associati alla colonizzazione di cellule umane. Il GEM è stato impiegato come strumento computazionale versatile per esplorare la biologia di <i>F. nucleatum</i> e per indagare le relazioni genotipo-fenotipo, supportando la progettazione di approcci sperimentali mirati.
Principal Investigator e Advisor	Prof. <u>Thomas Sauter</u> e Dr. <u>Luana Presta</u>

Data	Maggio - Settembre 2016
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di Firenze - Dipartimento di Biologia, Via Madonna del Piano 6, 50019, Sesto Fiorentino (FI), Italia
Tipo di azienda o settore	Ricerca accademica / Etologia e biologia degli insetti
Tipo di impiego	Borsa di ricerca post-Laurea Triennale (Prof.ssa <u>Rita Cervo</u>)
Principali mansioni e responsabilità	Progetto di ricerca volto a studiare l'impatto del fungo <i>Beauveria bassiana</i> sulla capacità di riconoscimento tra <i>nestmate</i> nelle api mellifere, una funzione essenziale per il mantenimento dell'integrità della colonia. Le attività hanno previsto test comportamentali basati sull'osservazione della risposta delle api verso bottinatrici (conspecifiche o non conspecifiche) esposte o non esposte al fungo al momento dell'ingresso nell'alveare, oltre ad analisi GC-MS degli idrocarburi cuticolari (CHC) per confrontare il profilo chimico delle api infette rispetto a quelle non esposte.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Data	Novembre 2019 - Gennaio 2023
Nome e tipo di istituto di istruzione	Università di Pisa - Università pubblica
Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	Genomica comparativa e funzionale di batteri simbiotici, biologia computazionale, analisi multi-omica e microbiologia
Qualifica conseguita	Dottorato di Ricerca in Biologia (<i>con lode</i>)
Livello nella classificazione nazionale	Livello 8 EQF

Data
 Nome e tipo di istituto di istruzione
 Principali materie / abilità
 professionali oggetto dello studio
 Qualifica conseguita
 Livello nella classificazione nazionale
 Progetto di tesi

2017-2019

Università degli Studi di Firenze - Università pubblica
 Biologia computazionale, Systems Biology, analisi multi-omica e microbiologia
 Laurea Magistrale in Biologia LM-6 (110/110 e lode)
 Livello 7 EQF

Studio degli adattamenti metabolici previsti nel tempo in *Pseudolateromonas haloplanktis* TAC125 coltivato in un mezzo complesso, con particolare attenzione agli effetti globali prodotti dal passaggio tra molteplici substrati. È stato inoltre sviluppato un modello computazionale in grado di descrivere la cinetica di crescita in un mezzo minimo. I dati RNA-seq sono stati utilizzati per verificare se i livelli di espressione genica rispecchiassero i pattern noti di degradazione degli amminoacidi, mentre analisi di risonanza magnetica nucleare (NMR) sono state impiegate per valutare il consumo di specifiche fonti nutritive (amminoacidi) durante la crescita in un mezzo minimo definito. È stato infine costruito un modello cinetico, genome-scale, capace di descrivere le principali caratteristiche fisiologiche di *P. haloplanktis* in condizioni di crescita su mezzo definito.

Data
 Nome e tipo di istituto di istruzione
 Principali materie / abilità
 professionali oggetto dello studio
 Qualifica conseguita
 Livello nella classificazione nazionale
 Progetto di tesi

2013-2016

Università degli Studi di Firenze - Università pubblica
 Etologia e biologia degli insetti
 Laurea Triennale in Scienze Biologiche L-13 (103/110)
 Livello 6 EQF

Studio della capacità immunitaria delle api guardiane (*Apis mellifera*), che rappresentano uno stadio intermedio tra le api di casa, attive all'interno dell'alveare, e le bottinatrici impegnate nella raccolta delle risorse esterne, al fine di valutare se il loro ruolo specifico sia associato a una specializzazione immunitaria. La capacità delle api guardiane di eliminare cellule batteriche dall'emolinfa è stata confrontata con quella delle api di casa e delle bottinatrici tramite una stimolazione immunitaria con batteri Gram-negativi (*Escherichia coli*).

ATTIVITA' DIDATTICA E LEZIONI

Novembre 2024 e Ottobre 2025

Attività didattica presso l'Università di Firenze

Docenza di moduli selezionati nei corsi di Bioinformatica (Corso di Laurea Magistrale in Biologia Molecolare e Applicata - settore scientifico-disciplinare BIO/18 - B230) e in Modelli Computazionali in Biologia (Corso di Laurea Magistrale in Data Science, Scientific Computing and Artificial Intelligence - settore scientifico-disciplinare BIO/18 - B257) presso l'Università di Firenze

14 Ottobre 2024

BIOINFORMATIHA 11 – Workshop

Workshop di bioinformatica tenuto durante l'Undicesima Edizione del Tuscany Day of Bioinformatics and Systems Biology (BIOINFORMATIHA 11), Università di Firenze, Centro Didattico Morgagni

Settembre-Novembre 2022

Attività didattica presso l'Università di Pisa

Lezioni pratiche per il corso di Sistematica e Filogenesi Molecolare (Corso di Laurea Magistrale in Conservation and Evolution - settore scientifico-disciplinare BIO/11, Biologia Molecolare)

2017-2018	OpenLab – Operatore didattico Cooperativa Le Macchine Celibi - Università di Firenze Attività laboratoriale, educativa e di divulgazione scientifica nelle scuole primarie e secondarie di Firenze. Partecipazione all'evento "ScienzEstate" (giugno 2018) presso il Polo Scientifico di Sesto Fiorentino (FI)
6 Dicembre 2015	Attività didattica presso l'Università di Firenze Lezione frontale sull'identificazione dei macroinvertebrati e sulle metodologie di campionamento e calcolo dell'Indice Biotico Esteso (IBE) (Corso di Laurea Magistrale in Scienze della Natura e dell'Uomo - settore scientifico-disciplinare BIO/05, Zoologia)
CONFERENZE	
17-19 Settembre 2025	Associazione Genetica Italiana (AGI) 2025 Congress AncheCinema, Bari, Italia Poster: Does transcription-replication interaction impact cellular metabolism?
1-11 Luglio 2024	Society for Molecular Biology and Evolution (SMBE) Convention Center, Puerto Vallarta, Messico Poster: Antarctic microbial genomics: insights into cold adaptation and secondary metabolite biosynthesis
21-25 Settembre 2023	XXXIV SIMGBM Congress - Società Italiana di Microbiologia Generale e Biotecnologie Microbiche Università di Cagliari, Cagliari, Italia Poster: Systematic predictions of <i>Fusobacterium nucleatum</i> physiology by integrating transcriptomics and growth data
14-16 Settembre 2023	Joint Meeting AGI - SIMAG 2023 Centro congressi Sant'Agostino, Cortona, Italia Poster: Antarctic microbial genomics: insights into cold adaptation and secondary metabolite biosynthesis
21-22 Ottobre 2022	XXXIII National Congress of the Italian Society of Protistology Natural History Museum of the University of Pisa, Calci, Pisa, Italia Presentazione orale: Genomic characterization of novel symbionts of <i>Paramecium</i> , belonging to the <i>Holosporaceae</i> family, presenting differential features
14-19 Agosto 2022	18th International Symposium on Microbial Ecology (ISME 18) SwissTech Convention Center, Losanna, Svizzera Poster: Genomic characterization of novel symbionts of <i>Paramecium</i> , belonging to the <i>Holosporaceae</i> family, presenting differential features
14 Ottobre 2021	Joint Genome Institute (JGI) annual user meeting Modalità telematica Presentazione orale: " <i>Candidatus</i> Gromoviella Agglomerans", a novel intracellular <i>Holosporaceae</i> parasite of the ciliate <i>Paramecium</i> showing marked genome reduction
29 Febbraio 2016	6th AISASP Student Meeting Dipartimento di Antropologia, Università di Firenze, Firenze, Italia Presentazione orale: Immunity variation in <i>Apis mellifera ligustica</i> with senescence and behavioural tasks

CORSI DI FORMAZIONE

Novembre 2025 - in corso

More Applied Data Science with Python – Online Specialization
Università del Michigan (Coursera)

Aprile-Giugno 2025

Hubble Acceleration Program – Startup Masterclass

Nana Bianca, Innovation Center di Fondazione CR Firenze

Selezionati per partecipare all'Hubble Acceleration Program come vincitori della competizione Impresa Campus UNIFI 2024. La Masterclass è progettata per sviluppare competenze imprenditoriali avanzate e supportare startup in fase iniziale nel loro percorso di crescita

Settembre-Dicembre 2024

Impresa Campus UNIFI

First Lab, Università di Firenze

Partecipazione come membro del team fondatore a Impresa Campus UNIFI, programma di formazione imprenditoriale promosso dall'Università di Firenze. L'iniziativa ha l'obiettivo di potenziare le soft skills, favorire le capacità di innovation management e promuovere la cultura imprenditoriale all'interno della comunità accademica.

Progetto di start-up: COFEE - COmputational Facility EnterprisE

2022

24 CFU (University Educational Credits)

Università di Pisa

Acquisizione dei 24 CFU nei settori antropologico, psicologico, pedagogico e nelle metodologie e tecnologie didattiche (discipline relative all'insegnamento e alla formazione)

2022

Bulk and Single Cell RNA sequencing Analysis

Workshop Online

Diversi argomenti trattati nel workshop online: Working on Linux | R programming | Reference-based assembly | De novo assembly | Quantification of the transcripts | Introduction to scRNAseq | Integrating multiple datasets in scRNAseq analysis | Differential Gene Expression | Gene enrichment analysis | Case Study and Project Design

2022

Python programming course

Corso Online (fondazione Bruno Kessler, Trento)

Diversi argomenti trattati nel workshop online: Introduction to Python and programming | Installation and setup of the work environment | Variables, data types, conversion; expressions and statements | Simple operators | Functions | Conditional, logical operators, recursion | Iterations, multiple assignments | Strings: formatting, manipulation | Lists, dictionaries, tuples | Input/output: working with files | Guidelines for formatting code

2020

Practical introduction to Systems Biology

Corso Online (Dipartimento di Medicina Clinica e Sperimentale, Università di Pisa) | Speaker: Prof. Emanuele Bosi

Il corso ha fornito una panoramica sui principali metodi della Systems Biology, con particolare attenzione alla modellazione computazionale di reti biologiche e ai modelli metabolici genome-scale. Sono stati presentati gli approcci più utilizzati per analizzare sistemi biologici complessi, identificare proprietà emergenti e generare previsioni quantitative, includendo esempi pratici di simulazione del metabolismo e di utilizzo delle librerie di programmazione dedicate alla modellazione e all'analisi delle reti

2020

Browsing Genomes with Ensembl

Corso Online (EMBL-EBI Training)

Diversi argomenti trattati nel workshop online: Introduction to Ensembl | Ensembl genes and transcripts | Variation data in Ensembl and the Ensembl VEP | Comparing genes and genomes with Ensembl Compara | Finding features that regulate genes | the Ensembl Regulatory Build | Data export with BioMart | Visualising your data in Ensembl

PUBBLICAZIONI

Alonso-Vásquez, T., Giovannini, M., Garbini, G.L., Dziurzynski, M., Bacci, G., Coppini, E., Fibbi, D. and Fondi, M., 2025. An ecological and stochastic perspective on persisters resuscitation. *Computational and Structural Biotechnology Journal*, 27, pp.1-9

Castelli, M., Nardi, T., Giovannini, M. and Sassera, D., 2024. Addictive manipulation: a perspective on the role of reproductive parasitism in the evolution of bacteria–eukaryote symbioses. *Biology Letters*, 20(9), p.20240310

Giovannini, M., Vieri, W., Bosi, E., Riccardi, C., Lo Giudice, A., Fani, R., Fondi, M. and Perrin, E., 2024. Functional Genomics of a Collection of Gammaproteobacteria Isolated from Antarctica. *Marine Drugs*, 22(6), p.238

Giovannini, M., Petroni, G., and Castelli, M., 2024. Novel evolutionary insights on the interactions of the *Holosporales* (*Alphaproteobacteria*) with eukaryotic hosts from comparative genomics. *Environmental Microbiology*, 26(1), p.e16562

Castelli, M., Lanzoni, O., Giovannini, M., Lebedeva, N., Gammuto, L., Sassera, D., Potekhin, A., Fokin, S., and Petroni, G., 2021. “*Candidatus* Gromoviella agglomerans”, a novel intracellular *Holosporaceae* parasite of the ciliate *Paramecium* showing marked genome reduction. *Environmental microbiology reports*, 14(1), pp.34-49

Perrin, E., Ghini, V., Giovannini, M., Di Patti, F., Cardazzo, B., Carraro, L., Fagorzi, C., Turano, P., Fani, R. and Fondi, M., 2020. Diauxie and co-utilization of carbon sources can coexist during bacterial growth in nutritionally complex environments. *Nature communications*, 11(1), p.3135

Cappa, F., Petrocelli, I., Cini, A., Pepiciello, I., Giovannini, M., Lazzeri, A., Perito, B., Turillazzi, S. and Cervo, R., 2020. Immunity of honeybee guards reflects their transition from house bees to foragers. *Ethology Ecology and Evolution*, 32(3), pp.289-295

Cappa, F., Petrocelli, I., Dani, F.R., Dapporto, L., Giovannini, M., Silva-Castellari, J., Turillazzi, S. and Cervo, R., 2019. Natural biocide disrupts nestmate recognition in honeybees. *Scientific reports*, 9(1), p.3171

PUBBLICAZIONI IN REVISIONE dopo peer-review

Giovannini, M., Sassera, D., Alonso-Vásquez, T., Gammuto, L., Gogoleva, N., Bellinzona, G., Potekhin, A., Petroni, G., and Castelli, M. - Facultative mutualism between *Paramecium* and the intracellular *Rickettsiales* bacterium *Megaera* mediated by a horizontally-acquired biotin operon. *ISME Communications*

Giovannini, M., Bosi, E., Vieri, W., Presta, L., Viciani, E., Bernabei, I., Nannini, G., Stares, M., Browne, T.L., Sauter, T., Letellier, E., Karta, J., Amedei, A., Fani, R., and Fondi, M. - Modelling *Fusobacterium nucleatum* lifestyles by integrating transcriptomics and growth data. *Current Research in Microbial Sciences*

Alonso-Vázquez T., Giovannini M., Garbini GL., Palli, L., Mari, L., Macellaro, L., Berardi, C., Fani, R., Coppini, E., Fibbi, D., and Fondi, M. - Seasonal dynamics of the Core Microbial Community Functions in a WWTP. *FEMS Microbiology Ecology*

PUBBLICAZIONI IN PREPARAZIONE

Giovannini, M., Brilli, M., Arshad, A., Frandi, A., Buroni, S., Mederer, M., Vaccaro, F., Alonso- Vázquez, T., Garbini GL., and Fondi, M. - Does transcription-replication interaction impact cellular metabolism?
Target journal: under evaluation

Giovannini, M., Alonso-Vázquez, T., Garbini GL., and Fondi, M. - Microbial communities dynamics to fight antimicrobial resistance (review). Target journal: under evaluation

Giovannini, M., Sassera, D., Sabaneyeva E., Potekhin, A., Gammuto, L., Petroni, G., and Castelli, M. - Genome Assembly and Comparative Genomics of Novel *Preeria* Strains (*Alphaproteobacteria*)
Target journal: under evaluation

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

MADRELINGUA

Italiano

ALTRE LINGUE

Inglese

Capacità di lettura

Eccellente

Capacità di scrittura

Eccellente

Capacità di espressione orale

Eccellente

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

Abituato a lavorare in team multidisciplinari e internazionali, con ottime capacità comunicative e collaborazioni consolidate in progetti di ricerca, attività didattiche e iniziative imprenditoriali. Forte attitudine al lavoro di squadra, alla gestione condivisa di obiettivi e alla comunicazione efficace in contesti complessi.

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

Esperienza nel coordinamento di progetti di ricerca, gestione di attività didattiche e organizzazione di workshop scientifici. Abilità nella pianificazione del lavoro, nel rispetto delle scadenze e nella gestione strutturata di processi complessi, anche in collaborazione con team internazionali.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

- Linguaggi di programmazione e scripting
Python | R | Bash | LaTeX
- Analisi di dati NGS
- Systems Biology
COBRApy | FBA | FVA | GEM reconstructions
- Statistics & Data Analysis
- Competenze di laboratorio complementari
Whole Genome Amplification (WGA) | total DNA/RNA extraction | PCR | Third-generation sequencing (MinION) | Fluorescence in situ hybridization (FISH) | Cell culture
- Mentoring e supervisione studenti

ULTERIORI INFORMAZIONI

Prof. Marco Fondi

Group leader, Florence Computational Biology Group (ComBo_group)

Dipartimento di Biologia, Università di Firenze

Via Madonna del Piano 6, 50019, Sesto Fiorentino, FI

E-mail: marco.fondi@unifi.it

Phone: +39 055 4574736

Prof. Davide Sassera

Group leader, Midi Factory SasseraLab

Dipartimento di Biologia e Biotechnologie "Lazzaro Spallanzani",
Università di Pavia

Via Adolfo Ferrata, 9, 27100 Pavia

E-mail: davide.sassera@unipv.it

Phone: +39 0382986071

Dr. Michele Castelli

Ricercatore a tempo determinato (RTT)

Dipartimento di Biologia e Biotechnologie "Lazzaro Spallanzani",
Università di Pavia

Via Adolfo Ferrata, 9, 27100 Pavia

E-mail: michele.castelli@unipv.it

Phone: +39 0382986028

Prof. Thomas Sauter

Full professor in Systems biology

Department of Life Sciences and Medicine, University of Luxembourg
Ketterthill 8, avenue du Swing L-4367 BELVAUX

E-mail: thomas.sauter@uni.lu

Phone: (+352) 46 66 44 6296

Prof. Giulio Petroni

Professore Ordinario

Dipartimento di Biologia, Università di Pisa

Via Luca Ghini 13, 56126, Pisa

E-mail: giulio.petroni@unipi.it

Phone: +39 050 2211384

Prof.ssa Rita Cervo

Professore Associato

Dipartimento di Biologia, Università di Firenze

Via Madonna del Piano 6, 50019, Sesto Fiorentino, FI

E-mail: rita.cervo@unifi.it

Phone: +39 0554574724

Data e Luogo
24/11/2025, Firenze